

Amendments to the Specification:

Please replace paragraph [201] comprising TABLE 3 with the following paragraph and table that is amended as shown below:

[201]

TABLE 3. Oligonucleotides (Primer List)

Primer No. (SEQ ID NO:)	RCIII Name	ACTUAL SEQ (5' TO 3')
1	araD-BamHI	CGGGATCCTGGTAGGGAACGAC (SEQ ID NO:1)
2	araD-PmeI	AGCTTTGTTTAAACAGCAAATGCGCTTTGATA (SEQ ID NO:2)
3	araC-PmeI	GTCATTGTTTAAACTTGCCATCGTCTTACTCC (SEQ ID NO:3)
4	araC-SphI	ACATGCATGCGGACGATCGATAA (SEQ ID NO:4)
5	araE N-SphI	GACTGCATGCATGGTGTGTTGTTACA (SEQ ID NO:5)
6	araE N-PmeI	GTCATTGTTTAAACGGCGTGTAATCCTCCCTC (SEQ ID NO:6)
7	araE C-PmeI	GTCATTGTTTAAACCTGCCACAACAGAGTAAG (SEQ ID NO:7)
8	araE C-BamHI	CGGGATCCCATAGCGGTAGATG (SEQ ID NO:8)
9	araD-NcoI, PmeI	GATGCCATGGTTTAAACTATATTTCAGCAAATGCG (SEQ ID NO:9)
10	araD-NcoI, SD	GATGCCATGGTCTGTTTCCTCGTCTTACTCCATCC (SEQ ID NO:10)
11	c2-PacI	GGTTAATTAATTATGGAAGATTTGCGAGT (SEQ ID NO:11)
12	c2-NcoI	CATGCCATGGCTATGAATACACAATTGA (SEQ ID NO:12)
13	lacI-XbaI	GCTCTAGATCACTGCCCCGCTTTCC (SEQ ID NO:13)
14	lacI-PacI	GGTTAATTAAGGGTGGTGAATGTGAA (SEQ ID NO:14)
15	rrfG TT PstI, XbaI-5' PmeI, BamHI-3'	AACTGCAGTCTAGATTATGCGAAAGGCCATCCTGAC GGATGGCCTTTTTGTTTAAACGGATCCGC (SEQ ID NO:15)
16	rrfG TT-COMP	GCGGATCCGTTTAAACAAAAAGGCCATCCGTCAGGA TGGCCTTTCGCATAATCTAGACTGCAGTT (SEQ ID NO:16)
17	endA N-BamHI	CGGGATCCGCTACGAAATCCGCCTCAAC (SEQ ID NO:17)
18	endA N-HindIII	CCCAAGCTTAGCAAACGAGCCCGCAACG (SEQ ID NO:18)
19	endA C-HindIII	CCCAAGCTTCCTACACTAGCGGGATTCTTG (SEQ ID NO:19)
20	endA C-SphI	ACATGCATGCCGACGCTCAGAG (SEQ ID NO:20)
21	fcl-SphI	GCACGCATGCAACAGCAGTATGTTTACG (SEQ ID NO:21)
22	fcl-XbaI	CCTCTAGAGAATGAATAAGCAACGAA (SEQ ID NO:22)

23	wcaF-XbaI	GCTCTAGATCCTCAAATAGTCCCGTTAGG (SEQ ID NO:23)
24	wcaF-SmaI	TCCCCCGGGCAAATATTGTATCGCTGG (SEQ ID NO:24)
25	gmm-SphI	GCACGCATGCTCAGGCAGGCGTAAATCGCTCT (SEQ ID NO:25)
26	gmm-XbaI	CCTCTAGACAATGTTTTTACGTCAGGAAGATT (SEQ ID NO:26)
27	relA C-SphI	ACATGCATGCCAGATATTTTCCAGATCTTCAC (SEQ ID NO:27)
28	relA C-EcoRI	CGGAATTCACCCAGACAGTAATCATGTAGCGG (SEQ ID NO:28)
29	relA N-EcoRI	CGGAATTCAAGGGACCAGGCCTACCGAAG (SEQ ID NO:29)
30	relA N-BamHI	CGGGATCCGAGGGCGTTCCGGCGCTGGTAGAA (SEQ ID NO:30)
31	msbB C-SmaI	TCCCCCGGGTTATGCTGTCTGCCGAAACC (SEQ ID NO:31)
32	msbB C-BglII	GAAGATCTGTAAGAGAGGCTTTATGCTGAC (SEQ ID NO:32)
33	msbB N-BglII	GAAGATCTCAGGGTCTGCTGACGCGAAAAG (SEQ ID NO:33)
34	msbB N-SphI	ACATGCATGCTGCCGGTTACTACATTGCGATTCT (SEQ ID NO:34)
35	SalFliC-SphI	CATGCATGCAGGCAGGTTTACGGTACGGTGA (SEQ ID NO: 35)
36	SalFliC-BamHI	CGGGATCCGTTATCGGCAATCTGGAGGCAA (SEQ ID NO:36)
37	FljB C-SacI	GCGAGCTCTTCAAGAATTGCCAGAGAC (SEQ ID NO:37)
38	FljB C-EcoRI	CCGAATTCGGGGCTTTTTCAT (SEQ ID NO:38)
39	FljB N-EcoRI	CCGAATTCAGCAGACTGAACCGCCAGT (SEQ ID NO:39)
40	FljB N-KpnI	GGGGTACCTAATCAACACTAACAGTCT (SEQ ID NO:40)
41	EmurA 5'-EcoRI	CGGAATTCTGAGAACAACTAAATGG (SEQ ID NO:41)
42	EmurA 3'-EcoRI	CGGAATTCTTATTCGCCTTTTCACACGC (SEQ ID NO:42)
43	EaraC 5'-NsiI	CCAATGCATAATGTGCCTGTCAAATGG (SEQ ID NO:43)
44	EaraBAD 3'-EcoRI	CGGAATTCGCTAGCCCAAAAAACG (SEQ ID NO:44)
45	EMGTGRV-NcoI	CATGCCATGGAGCTCGGTACCCGGGGAT (SEQ ID NO:45)
46	EMGTG-NcoI, EcoRI	CATGCCATGGAATTCTGAGAACAACTAAGTGGATAAA TTTCGTGTTTCTAG (SEQ ID NO:46)
47	PVAX-5	CGACCCGGGATCGATCTGTGCGGTATTTTCACACCG (SEQ ID NO:47)
48	PVAX-3	GCACCCGGGTGACAGATCCTTGGCGGCGAGAAAG (SEQ ID NO:48)
49	EASZ240 KpnISD	GGGGTACCAGGGGCCGCCACCATGGCACGTTTCTTTGT ATTTCTTACTCAGTTAAATGGG (SEQ ID NO:49)
50	EASZ240XhoI	CGGCTCGAGTTAGAAGCCGCCCTGGTACAGGTACT (SEQ ID NO:50)
51	240-KpnI	GGGGTACCAGGAGCCGCCACCATGGCACGTTTCT (SEQ ID NO:51)
52	240-BamHI-XhoI	CGGGATCCCTCGAGTTATTATTTATCATCATCATCTTT ATAATCGAAGCCGCCCTGGTACAGGTACTCA (SEQ ID NO:52)

53	EAMZ250KpnISD	GGGGTACCAGGAGCCGCCACCATGGCTCCTTTGCCCTT TTCTCCTCCTT (SEQ ID NO:53)
54	EAMZ250XhoI	CCGCTCGAGCTACGAACGCGGAGGATACGGCGTGCGGT (SEQ ID NO:54)
55	250-KpnI	GGGGTACCAGGAGCCGCCACCATGGC (SEQ ID NO:55)
56	250-BamHI-XhoI	CGGGATCCCTCGAGTTATTATTTATCATCATCTTT ATAATCCGAACGCGGAGGATACGGCGTGCGGT (SEQ ID NO:56)
57	sipB-NdeI	GCAATTCCATATGGTAAATGACGCAAGTAGCATTAG (SEQ ID NO:57)
58	sipB-BamHI	CCGGATCCTTTATTTTGGCAGTTTTTATGCG (SEQ ID NO:58)
59	PstI-P22PR	AACTGCAGTCCTACGCTCACCCATCAATTG (SEQ ID NO:59)
60	XbaI-trpATT	GCTCTAGAAGATCTAGCCCGCCTAATGAGCGG (SEQ ID NO:60)
61	PmeI-Ptrc	AGCTTTGTTTAAACGGATCTTCCGGAAGACCTTCCATTC (SEQ ID NO:61)
62	XbaI-pBR	GCTCTAGACTGTCAGACCAAGTTTACTCATA (SEQ ID NO:62)
63	KpnI-c2-N	CGTTGGTACCAGGAGACTTAACTATGAATACACAA (SEQ ID NO:63)
64	SacI-c2-C	CGGCGAGCTCTTATGGAAGATTTGCGAGTTTTGC (SEQ ID NO:64)
65	XbaI-N	TGCTCTAGATGTGCATGGCAATCGCCCAAC (SEQ ID NO:65)
66	SphI, ScaI-N	ACATGCATGCTAATGAGAGCTCAGCGTTTTTCTGCAAAGAG ATGTGC (SEQ ID NO:66)
67	SphI-C	ACATGCATGCTAGTGGCTATTGCAGCGCTTA (SEQ ID NO:67)
68	XmaI-C	TCCCCCGGGTATCTGCGTCGTCCTACCTTC (SEQ ID NO:68)
69	endA N-SacI-5'	CGAGCTCGCTACGAAATCCGCCTCAAC (SEQ ID NO:69)
70	endA N-BglIII-3'	GAAGATCTTAGCAAACGAGCCCGCAACG (SEQ ID NO:70)
71	endA C-EcoRI-5'	GGAATTCCCTACACTAGCGGGATTCTTG (SEQ ID NO:71)
72	endA C-kpnI-3'	GGGGTACCGTTTAAACGCCGCGCTCAGAG (SEQ ID NO:72)
73	lacI EcoRI-3'	GGAATTCTCACTGCCCCGCTTTCAGTCGGG (SEQ ID NO:73)
74	lacI XhoI-5'	CCGCTCGAGAGGATGGTGAATATGAAACCAGTAACGTT (SEQ ID NO:74)
75	relA C-KpnI	GGGGTACCCCAGATATTTTCCAGATCTTCAC (SEQ ID NO:75)
76	relA C-EcoRI	CGGAATTACCCCAGACAGTAATCATGTAGCGGCT (SEQ ID NO:76)
77	relA N-BglIII	GAAGATCTAAGGGACCAGGCCTACCGAAG (SEQ ID NO:77)
78	relA N-SacI	CGAGCTCGAGGGCGTTCCGGCGCTGGTAGAA (SEQ ID NO:78)
79	V.fliC 1 XmaI	TCCCCCGGGCGCTATCGAGCGTCTGTCTTCCGG (SEQ ID NO:79)

80	V fliC 2 EcoRI	GGGAATTCCTTATATTTTTGTTGCACATTCAG (SEQ ID NO:80)
81	V fliC 2 EcoRI	GGGAATTCACGTTACGTTCTGACCTGGGTGCG (SEQ ID NO:81)
82	V fliC 4 SphI	ACATGCATGCCGTCTTATCCAGCGTGATTTTCCA (SEQ ID NO:82)
83	V.fljB 1 XmaI	TCCCCCGGGCTGGTCTGCGTATCAACAGC (SEQ ID NO:83)
84	V fljB 2 EcoRI	GGGAATTCATCATACGCTTTCTGCACGTT (SEQ ID NO:84)
85	V fljB 3 EcoRI	GGGAATTCAGAAAATTGATGCCGCGCTG (SEQ ID NO:85)
86	V fljB 4 SphI	ACATGCATGCCATAGAATAATCCCGCGGCC (SEQ ID NO:86)
87	sifA SacI-C	TGATGAGCTCTTTCTCTTCTCCAAAATCTC (SEQ ID NO:87)
88	sifA KpnI-N	CTTAGGTACCGGTCGATTTAATCAATTATG (SEQ ID NO:88)
89	sifA-SacI-C	GCAAGAGCTCCTCTTCGTTTGTATCCATG (SEQ ID NO:89)
90	sifA-XhoI BglII-C	GCCGGATCCAGATCTTATCTACTCGAGAGGAAAAAACGCTAT GCCGATTACTATAGGG (SEQ ID NO:90)
91	sifA-XhoI BglII-N	CCTCTCGAGTAGATAAGATCTGGATCCGGCGCGGATGATGTTG TAGATTTG (SEQ ID NO:91)
92	sifA-KpnI-N	GCAGGTACCCGGCAATGGGCCTGTTCTAC (SEQ ID NO:92)
93	dnaB-SphI	ACATGCATGCCGCGCGGATAAACGTCCGGTGAAC (SEQ ID NO:93)
94	dnaB-BamHI	CGCGGATCCTGTAAAGAATGACGGAGAGTTAC (SEQ ID NO:94)
95	tyrB-BamHI	CGTGGATCCGTGGCGCTTGCGCTTATCCGGCTTG (SEQ ID NO:95)
96	tyrB-XmaI	TCCCCCGGGCTTCGGCTTCGGCCACCGTTTTT (SEQ ID NO:96)
97	ycgO-SphI	ACATGCATGCGAATGCGAAATTCGCCGACGTG (SEQ ID NO:97)
98	ycgO-BamHI	CGCGGATCCTAATTCAGGCTAAGGCGTCGACC (SEQ ID NO:98)
99	dadA-BamHI	CGCGGATCCTTATCAGTTATGCGCGCTATGCAA (SEQ ID NO:99)
100	dadA-SmaI	TCCCCCGGGCTTTAATACCGACTTACTGCAACC (SEQ ID NO:100)
101	murA KpnI-3'	GGGGTACCCGTAGCCCTCTTCCAGCTTGATG (SEQ ID NO:101)
102	murA XhoI-5'	CCGCTCGAGGGATAAATTTCTGTACAGGGGC (SEQ ID NO:102)
103	yrbA BglIII-3'	GAAGATCTTTAAAATCCGTTAAGTTTACGAT (SEQ ID NO:103)
104	yrbA SacI-5'	CGAGCTCCCGGCCTACACTTCGCATGATCC (SEQ ID NO:104)

Please replace para. [273] that spans pages 86 to 87 with the following amended paragraph:

[273] To establish a balanced-lethal host-vector system, the drug-resistance marker present in pVAX1 was replaced with a regulatable *araC* PBAD *asd* cassette (see Figure 37B). The 2.1 kb DNA fragment containing the eukaryotic DNA expression cassette was PCR-amplified from the pYA3587 (Figure 37A) DNA template with a pair of primers (Primer 47: 5'CGACCCGGGATCGATCTGTGCGGTATTTACACCG 3', SEQ ID NO:47, and Primer 48: 5'GCACCCGGGTCGACAGATCCTTGCGGCGAGAAAG 3', SEQ ID NO:48). (See Table 3). The PCR product, digested with *SmaI* enzyme, was ligated with the 4.0 kb blunted *XbaI*-*BsaAI* fragment from pYA3608 (Figure 30 and 31A), a plasmid possessing an SD-GTG *asd* and the *araC* PBAD fragment from *Escherichia coli* B/r, to result in plasmid pYA3611.